**吕刚简历**

1.导师的个人简介

吕刚，男，1963年出生，浙江永康人，医学博士，教授，博士研究生导师。1985年兰州大学医学院（原兰州医学院）医疗专业本科毕业，1988年兰州大学医学院寄生虫学专业硕士研究生毕业，2006年中山大学病原生物学专业博士研究生毕业。现为海南医学院热带病防治国家卫健委重点实验室副主任，海南医学院热带病转化医学重点实验室常务副主任，海南医学院-香港大学热带传染病联合实验室主任；国务院特贴专家、海南省优秀专家、海南省高校教学名师，海南省热带病防治专业委员会副主任委员会、海南省高等学校实验教学指导委员会委员,《热带医学杂志》常务编委、《中国热带医学》编委；海南省一流本科课程、海南省高校精品在线课程《病原生物学》及海南省精品课程《人体寄生虫学》负责人、海南医学院重点学科《病原生物学》学术带头人，海南省首届优秀研究生导师团队负责人。主要从事重要热带病原的功能基因组学研究及新发传染病分子流行病学研究工作。主持各类科研课题10余项，其中包括国家自然科学基金课题5项、海南省创新团队项目等省厅级课题多项。发表科研论文近130余篇，其中SCI收录50余篇，主编、参编教材9部，获海南省科技进步二等奖2项（第1完成人），获海南省教学成果二等奖2项（第1完成人），培养硕士研究生9名、博士研究生1人。

2.研究方向

热带病原功能基因组学研究；热带传染病分子流行病学研究。

3.发表的学术论文

（1）学术论文

1. Yuan S#, Ye ZW#, Liang R#, Tang K#, Zhang AJ#, **Lu G#**, Ong CP#, Man Poon VK, Chan CC, Mok BW, Qin Z, Xie Y, Chu AW, Chan WM, Ip JD, Sun H, Tsang JO, Yuen TT, Chik KK, Chan CC, Cai JP, Luo C, Lu L, Yip CC, Chu H, To KK, Chen H, Jin DY\*, Yuen KY\*, Chan JF\*. Pathogenicity, transmissibility, and fitness of SARS-CoV-2 Omicron in Syrian hamsters. Science. 2022 Jul 22;377(6604):428-433
2. Cao J#, **Lu G#**, Wen L, Luo P, Huang Y, Liang R, Tang K, Qin Z, Chan CC, Chik KK, Du J, Yin F, Ye ZW, Chu H, Jin DY, Yuen KY, Chan JF\*, Yuan S\*. Severe fever with thrombocytopenia syndrome virus (SFTSV)-host interactome screen identifies viral nucleoprotein-associated host factors as potential antiviral targets. Comput Struct Biotechnol J. 2021 Oct 1;19:5568-5577. doi: 10.1016/j.csbj.2021.09.034
3. Zhao W, Ren GX, Qiang Y, Li J, Pu J, Zhang Y, Tan F, Huang H, Liang S**\***, **Lu G\*.** Molecular-Based Detection of *Enterocytozoon bieneusi* in Farmed Masked Palm Civets (Paguma larvata) in Hainan, China: A High-Prevalence, Specificity, and Zoonotic Potential of ITS Genotypes. Front Vet Sci. 2021 Oct 1;8:714249. doi: 10.3389/fvets.2021.714249
4. Yang D#, Chu H#, **Lu G#**, Shuai H, Wang Y, Hou Y, Zhang X, Huang X, Hu B, Chai Y, Yuen TT, Zhao X, Lee AC, Ye Z, Li C, Chik KK, Zhang AJ, Zhou J, Yuan S, Chan JF**\***. STAT2-dependent restriction of Zika virus by human macrophages but not dendritic cells. Emerg Microbes Infect. 2021 May 12:1-42
5. Zhao W, Zhou HH, Ren GX, Qiang Y, Huang HC, **Lu G\*,** Tan F**\***. Occurrence and potentially zoonotic genotypes of Enterocytozoon bieneusi in wild rhesus macaques (Macaca mulatta) living in Nanwan Monkey Island, Hainan, China: a public health concern. BMC Vet Res. 2021 Jun 9;17(1):213.
6. Zhao W#, Zhou H#, Yang L, Ma T, Zhou J, Liu H, **Lu G\***, Huang H**\***. Prevalence, genetic diversity and implications for public health of Enterocytozoon bieneusi in various rodents from Hainan Province, China. Parasit Vectors. 2020 Sep 2;13(1):438. doi: 10.1186/s13071-020-04314-9
7. Zhou HH#, Zheng XL#, Ma TM, Qi M, Zhou JG, Liu HJ, **Lu G\***, Zhao W\*. Molecular detection of Enterocytozoon bieneusi in farm-raised pigs in Hainan Province, China: infection rates, genotype distributions, and zoonotic potential. Parasite. 2020;27:12.
8. Wei Zhao, Huan-Huan Zhou, Tian-Ming Ma, Jianping Cao, **Gang Lu\*** and Yujuan Shen**\***. PCR-Based Detection of Cryptosporidium spp. and Enterocytozoon bieneusi in Farm-Raised and Free-Ranging Geese (Anser anser f. domestica) from the Hainan Province of China: Natural Infection Rate and the Species or Genotype Distribution. Front. Cell. Infect. Microbiol. 2019, Dec 4;9:416 doi: 10.3389/fcimb.2019.00416
9. Zhou HH, Zheng XL, Ma TM, Qi M, Cao ZX, Chao Z, Wei LM, Liu QW, Sun RP, Wang F, Zhang Y, **Lu G\***, Zhao W**\***. Genotype identification and phylogenetic analysis of Enterocytozoon bieneusi in farmed black goats (Capra hircus) from China's Hainan Province. Parasite. 2019;26:62.
10. Zhao W, Zhou H, Jin H, Sun L, Li P, Liu M, Qiu M, Xu L, Li F, Ma T, Wang S, Yin F, Li L, Cui X, Chan JF, **Lu G\***. Genotyping of Enterocytozoon bieneusi among captive long-tailed macaques (Macaca fascicularis) in Hainan Province: high genetic diversity and zoonotic potential. Acta Trop. 2019 Oct 7:105211.
11. Zhu L#, Yin F#, Moming A, Zhang J, Wang B, Gao L, Ruan J, Wu Q, Wu N, Wang H, Deng F, **Lu G\***, Shen S**\***. First case of laboratory-confirmed severe fever with thrombocytopenia syndrome disease revealed the risk of SFTSV infection in Xinjiang, China. Emerg Microbes Infect. 2019;8(1):1122-1125
12. Zilin Wei, Qiang Liu, Wei Zhao, Xiumei Jiang, Ying Zhang, Aiyun Zhao, Bo Jing, **Gang Lu\***, Meng Qi**\***. Prevalence and diversity of Cryptosporidium spp. in bamboo rats (Rhizomys sinensis) in South Central China. Int J Parasitol-Par. 2019 Jun 21;9:312-316
13. Zhao W, Zhou H, Jin H, Liu M, Qiu M, Li L, Yin F, Chan JF, **Lu G\***. Molecular prevalence and subtyping of Cryptosporidium hominis among captive long-tailed macaques (Macaca fascicularis) and rhesus macaques (Macaca mulatta) from Hainan Island, southern China. Parasit Vectors. 2019 Apr 30;12(1):192.
14. Zhao W, Zhou HH, Huang Y, Xu LL, Rao LY, Wang SS, Wang WQ, Yi YF, Zhou XJ, Wu Y, Ma TM, Wang GY, Hu XY, Peng RY, Yin FF**\***, **Lu G\***．Cryptosporidium spp. in wild rats (Rattus spp.) from the Hainan Province, China: Molecular detection, species/genotype identification and implications for public health. Int J Parasitol-Par. 2019 Apr 11;9:317-321
15. Yin F, Chan JF, Zhu Q, Fu R, Chen JH, Choi GK, Tee KM, Li L, Qian S, Yam WC, **Lu G\***, Yuen KY\*. Development and in-use evaluation of a novel Luminex MicroPlex microsphere-based (TRIOL) assay for simultaneous identification of Mycobacterium tuberculosis and detection of first-line and second-line anti-tuberculous drug resistance in China. J Clin Pathol. 2017 Apr;70(4):342-349
16. Liang P, He L, Yu J, Xie Z, Chen X, Mao Q, Liang C, Huang Y, **Lu G\***, Yu X**\***. Identification and characterization of a member of Rab subfamily, Rab8, from Clonorchis sinensis. Parasitol Res. 2015, 114(5):1857-64
17. Pei Liang, Lei He, Yanquan Xu, Xueqing Chen, Yan Huang, Mengyu Ren, Chi Liang, Xuerong Li, Jin Xu, **Gang Lu\***, Xinbing Yu**\***. Identification, immunolocalization, and characterization analyses of an exopeptidase of papain superfamily, (cathepsin C) from Clonorchis sinensis. Parasitol Res. 2014, 113(10):3621-9
18. **Lu G,** Shi DZ, Lu YJ, Wu LX, Li LH, Rao LY, Yin FF. Retrospective epidemiological analysis of sparganosis in mainland China from 1959 to 2012. Epidemiol Infect. 2014 Dec;142(12):2654-61
19. Pei Liang，Jiufeng Sun，Yan Huang，Fan Zhang，Juanjuan Zhou，Yue Hu，Xiaoyun Wang，Chi Liang，Minghui Zheng，Yanquan Xu，Qiang Mao，Xuchu Hu，Xuerong Li，Jin Xu，**Gang Lu\***，Xinbing Yu**\***. Biochemical characterization and functional analysis of fructose-1,6-bisphosphatase from *Clonorchis sinensis.* Mol Biol Rep, 2013, 40(7):4371-82 (通讯作者)
20. Pei Liang，Fan Zhang，Wenjun Chen，Xuchu Hu，Yan Huang，Shan Li，Mengyu Ren，Lei He，Ran Li，Xuerong Li，Jin Xu，Zhongdao Wu，**Gang Lu\***，Xinbing Yu**\***. Identification and biochemical characterization of adenylate kinase1 from Clonorchis sinensis. Parasitology Research, 2013, 112:1719–1727
21. **LU Gang,** HU Xu-Chu, HUANG Can, LU Ya-Jun, WU Lixian , LI Lihua, XU Jing , YU Xin-Bing. Effect of artemether, hemin and Fe3+ on recombinant lactate dehydrogenase from *Schistosoma japonicum*. Asian Pacific Journal of Tropical Medicine, 2010,3(12)：930-933
22. **Gang LU,** Ya-Jun LU, Li-Hua LI, Li-Xian WU, Zhi-Gang FAN, Da-Zhong SHI, Hu WANG, Xiu-Min HAN**.** Identification and bioinformatics analysis of lactate dehydrogenase genes from *Echinococcus granulosus*. Asian Pacific Journal of Tropical Medicine, 2010,3(10):757-761
23. Fu Qiongyao, Lu Yajun, Rao Longyu, Chen Jinglong, Wu Qiang, Cai Qunfang, Li Lihua, Wu Lixian, **Lu Gang\***. Identification, structure and function of a novel trtraspaninhomologue from *Spirometra erinaceieuropaei*. Asian Pacific Journal of Tropical Medicine, 2011,4(9)：739-742
24. **Gang Lu**, Xuchu Hu, Zhaiyu Peng, Hongyan Xie, Yanwen Li, Zhongdao Wu, Xinbing Yu. Expression and characterization of lactate dehydrogenase from *Schistosoma japonicum*. Parasitology Research, 2006, 99(5):593-596

4.获得的学术成果奖励（标注名次）

1. 《寄生蠕虫乳酸脱氢酶结构与功能研究》获2014年海南省科技进步奖二等（第一完成人）（2014-J-2-D-092）
2. 《欧猥迭宫绦虫基因表达谱及功能基因组学研究》获2012年海南省科技进步二等奖（第一完成人）（2012-J-2-R-246）
3. 《依托学科建设、突出热带特色的《病原生物学》课程体系建设与实践》获2005年海南省教学成果二等奖（第一获奖人）
4. 《基于网络的人体寄生虫学多媒体素材库的建设与应用》获2005年海南省教学成果二等奖（第一获奖人）
5. 《人体寄生虫学多媒体素材库》获2002年海南省第九届多媒体课件（软件）大赛一等奖（第一获奖人）
6. 海南省优秀硕士学位论文导师 2019 2021

5.主持过的科研项目

1. 海南新发热带传染病分子流行病学研究，No.YSPTZX202004，海南省院士创新平台科研专项，90万元，2021.01-2023.12
2. 海南岛人源毕氏肠微孢子虫基因多样性及群体遗传学研究,No.82060375，国家自然科学基金地区基金，35万，2021.01-2024.12
3. 海南热带传染病防治研究，No.2018CXTD340，海南省自然科学基金创新团队项目，30万，2018.01-2020.12
4. 海南立克次体病的分子流行病学与病原多样性研究，No.81760378，国家自然科学基金地区基金，34万，2018.01-2021.12
5. 海南疟疾流行区虫媒传染病的分子流行病学调查，No.81672072，国家自然科学基金（面上项目），25万，2017.01-2018.12
6. 海南医学院重点学科《病原生物学》，100万元，2016-2020
7. 海南重大新发传染性疾病病原分子检测平台的建立及应用，No.Hnkyzx2014-08，海南省高等学校科学研究专项，10万，2015.01-2018.12
8. 结核耐药性多重快速检测技术平台的开发，No.ZDXM2014118，海南省引进集成示范专项，30万元，2015.01-2016.12
9. 曼氏迭宫绦虫裂头蚴宿主选择性发育分子的筛选及鉴定，No.81260254，国家自然科学基金地区基金，49万元，2013.01-2016.12
10. 具有医学特色环境科学专业课程体系的构建与实践，No.HYZX201104，海南医学院教改专项,2.5万元,2011-2014
11. 海南医学院重点学科《病原生物学》,50万元,2011-2015
12. 曼氏迭宫绦虫基因表达谱及功能基因组学研究,海南医学院科研培育基金课题,7.0万元
13. 模式寄生蠕虫乳酸脱氢酶结构与功能研究,No.30860070,国家自然科学基金地区基金，26万元,2009.01-2011.12
14. 曼氏迭宫绦虫全长cDNA文库的构建及鉴定,No.HjKj200570,海南省教育厅科研立项项目
15. 间日疟原虫乳酸脱氢酶基因的分子克隆及序列分析,No.30410,海南省自然科学基金，2.0万元
16. 数字化教学模式与教学评价系统的研究和探索, No.Hjsk200329,海南省教育厅高校科研重点教改项目，1.5万元,2003-2004
17. 人体寄生虫多媒体素材库的建立,No.Hjsk200230,海南省教育厅高校科研重点教改项目，2.0万元,2002-2003